

Predicted epitopes:

No.	Start Position	End Position	Peptide	Peptide Length
1	1	8	MTTPSHLS	8
2	47	49	ARD	3
3	60	66	AQNAAAL	7
4	76	87	DTGEAETPAGPL	12
5	105	114	HTEGPMTPKR	10
6	139	140	VK	2
7	164	172	ADSGNSVTQ	9
8	182	197	YLSPEQARGDSVDARS	16
9	211	224	TGEPFPTGDSVSV	14
10	229	244	VREDPIPPSARHEGLS	16
11	257	266	KNPENRYQTA	10
12	268	268	E	1
13	277	291	HNGEPPEAPKVLTA	15
14	301	327	AGNLSPRTDPLPRQDLDDTDRDRSIG	27
15	355	355	G	1
16	358	373	RDVQVPDVRGQSSADA	16
17	387	432	LQKPDSTIPPDHVIKTDPAANTSVSAGDEITVNVSTGPEQREIPDV	46
18	435	435	L	1
19	452	463	FKQANSPSTPEL	12
20	468	479	IGTNPPANQTSA	12
21	490	507	SGPATKDIPDVAGQTVDV	18
22	522	547	QASVDSRPAGEVTGTNPPAGTTVPV	26
23	556	556	S	1
24	576	576	P	1
25	588	600	DKGADVVDAGGSQH	13
26	603	616	VVYQNPPAGTGVNR	14