

Predicted epitopes:

No.	Start Position	End Position	Peptide	Peptide Length
1	1	26	MTESPTAGPGGVPRADDADSDVPRYR	26
2	38	38	T	1
3	40	41	QE	2
4	50	68	NVNPVGLAPPDGAAVPD	19
5	77	86	FPYPSGEGH	10
6	121	140	LPAEQYAVQTGTHPRTRTEA	20
7	157	164	DSRRSFST	8
8	186	194	DTTANKARP	9
9	207	226	RCLDGGRDWAKLTAGERADV	20
10	254	265	EVTADGRSDRGN	12
11	296	302	WPEQVKT	7
12	308	310	IGR	3
13	322	329	AASDDGFE	8
14	337	337	T	1
15	340	342	DTL	3
16	355	355	D	1
17	365	384	WPAGVNPLWTYGGGTPGEAI	20
18	396	405	DLERQESREK	10
19	415	423	INPANGEPV	9
20	444	451	PGHDQRDW	8
21	469	477	NISESAYTG	9
22	492	495	VPAA	4
23	504	510	ESAGRGR	7
24	527	530	YWGE	4
25	533	546	PIVYDSDGRPHALD	14
26	550	550	L	1
27	552	580	VELPDVPDYSPLVFLDPDDADSESPPLAK	29
28	592	592	G	1
29	594	611	GLKPYSRDTNVMPQWAGS	18
30	618	625	YTDPHNSE	8
31	627	627	F	1
32	629	629	A	1
33	634	654	AYWMGPRPAEHGPDDPGGVDL	21
34	682	687	VSSREP	6
35	702	717	YTDARGSYVPAEQVIE	16
36	721	732	RFVYPGPDGEVE	12
37	745	759	KNSVSPDEICDAYGA	15
38	771	783	PLEASRPWATKDV	13

39	801	808	HTGETRVA	8
40	838	840	NTA	3
41	856	863	RDAVPRAA	8
42	877	877	H	1
43	891	901	SLAHGPFPAKAD	11
44	910	919	VEYPVQVNGK	10
45	928	935	ADTDEETL	8
46	952	954	ATP	3